

Initiation à la phylogénie moléculaire

OBJECTIFS

S'approprier par la pratique des informations claires sur les différentes techniques de base utilisées en phylogénie moléculaire.

Se familiariser avec les ressources et les outils couramment utilisés en bio-informatique (NCBI, Blast, Serial Cloner, Seaview, BEAST).

PUBLIC CONCERNÉ

Cette formation s'adresse à un public possédant des notions de phylogénie et de bio-informatique.

Pré-requis : être initié en génétique moléculaire

PROGRAMME

ENSEIGNEMENTS

Notions Théoriques

- Structure du génome
- Structure des nucléotides

Notions de Bioinformatique

- Introduction à l'analyse phylogénétique

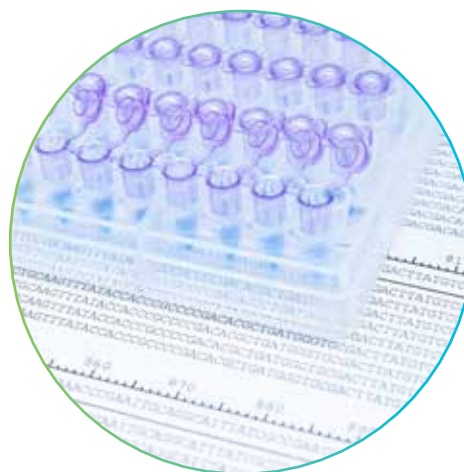
TRAVAUX DIRIGÉS

- La phylogénie (plus spécifiquement la phylogénie moléculaire)
- Construction et réalisation d'arbre phylogénétique

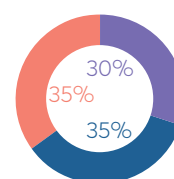
PARTIE PRATIQUE – TP

Travaux pratiques de bioinformatique

- Recherche d'information et ressources dans les banques
- Etudes et alignement de séquences
- Modèles d'évolution, modèles d'arbres
- Méthodes de distances et de parcimonie
- Méthodes de maximum de vraisemblance
- Phylogénie BAYESIENNE (logiciel BEAST)
- Lecture d'arbres



RÉPARTITION DE LA FORMATION



- Travaux pratiques
- Travaux dirigés
- Enseignements

Evaluation des acquis : QCM, TD et TP.

DURÉE : 2 jours

LOCALITÉ : École de l'ADN, Nîmes

DATE : Les 26 et 27 Mai 2026

COÛT : 1350 € NET - 8 stagiaires maximum.

RÉFÉRENCE : BB035

INTERVENANT : Pr Christian SIATKA,
Ecole de l'ADN de Nîmes